羊生长激素染色体基因的 分离及结构分析

任兆钧 冯淇辉 刘 新 垣 (中国科学院上海生物化学研究所)

ISOLATION AND CHARACTERIZATION OF

THE OVINE GROWTH HORMONE GENE

Ren Zhaojun Fung Kifai

(Department of Veterinary Medicine)

Liu Xinyuan

(Institute of Shanghai Biochemistry, Academia Sinica)

关键词 生长激素基因; 克隆; 噬斑形成单位; 重组子; 限制内切酶分析; DNA顺序 Key words, GH gene; clone; pfu; recombinants; restriction enzyme analysis DNA sequence

鼠、人、牛、猪的生长激素 (GH)染色体基因国外已先后有报道。羊的生长激素 染色体基因,文献尚未见报道。我们在国内条件下,分离到羊生长激素(GH)编码的 染色体基因,经DNA全顺序测定,结构完整,可用于肉、毛、乳高产新品种动物的基 因工程培育研究。

材料和方法

羊睾丸组织取自活体绵羊。建立基因文库载体用噬菌体EMBL-3,宿主菌E.coli K 802, Q 359,制备体外包装蛋白用菌种 HBH 2688和 HBH 2690,高效价包装蛋按任白 兆钧等的方法制备,建库过程参照 Maniatis 的方法。基因文库经鉴定、扩增。筛选基因 库用 2 个探针: 1.含羊 GHmRNA 前体3′端顺序的质粒片段(中国科学院细胞生物学 研究所郭礼和教授提供)。2.人工合成的寡核苷酸片段。22硷基。

G AGGAGGTTCTAAATTATCCAT (中国科学院生物化学研究所刘新垣教授合成)。 放射性同位毒 [α-32p] dATP, [α-32p] dCTP, [r-32p] dATP, (3000Ci/mmol, Amersham 公司),探针标记根据不同需要用缺口法,DNA合成法,末端标记法。限制性内切酶分析、膜转移杂交,放射自显影、阳性重组子的筛选及次级克隆等按常规。硝酸纤维素膜隔产(上海医药工业研究院产品)。重组灌菌体DNA的大量制备按兆任钧等的方法。DNA顺序测定按Sanger等的M13双脱氧末端终止法及郭礼和等的质粒双向法,载体分别用M13mp18及pWR13。测定结果用核酸处理软件系统经IBM计算机处理。质粒双向测序在郭礼和教授指导及叶增加助理研究员协助下进行。

试验结果

从羊睾丸组织抽提的染色体大分子DNA分子量大于50kb。符合DNA典型紫外 吸收 光谱。制备的包装蛋白体外包 装 效 价 达3.5×10 8pfu/ μg 载体DNA。 收 获 重 组 子 9.7×10°pfu,相当于按理论计算要求的10个库的数量,经原位杂交和酶切电泳鉴 定 羊 染色体基因组顺序已按预期长度插入。扩增其中1。1×10°pfu为永久基因文库。以 探 针 1对2.3×10°pfu重组子进行筛选,得到6个阳性噬菌体克隆,经限制性内切酶(BamHI、 EcoR I、Hind II、Bgl II、Sal I、Xho I)分析表明是相同基因克隆。阳性克隆的酶切图谱 与牛GH相似,该基因定位于插入片段的EcoRI—Sall切段。探针2顺序的设计参照文献 报道的鼠、人、牛GH基因5′端转录起始点上游120 bp进化保守顺序,与6个阳性 克隆 杂交结果3个克隆再为阳性,提示后者可能含有GH基因家族的5′端顺序。进一步分析 的一个阳性克隆的染色体插入片段长12.7 kb。用 Hind Ⅱ、EcoR Ⅰ、Sal Ⅰ、BamH Ⅰ所 作的酶切图谱结合Southern杂交分析,表明该基因定位于插入片段中部,利 用 该 基 因 内、外的BamH I 切点将阳性片段次级克隆至质粒pWR13的相应切点,得到 2 个可能含 单GH基因的克隆,命名为质粒pSG1和pSG2。从以上12.7kb片段分离8kb EcoRI— Sal I 切段, 散弹法克隆入M13mp18噬菌体, 得到60个重组白斑, 用探针 1 筛选, 继之 用 T 带扫描除去相同克隆, 余13个克隆进行顺序测定, 结果找到 G H 67个氨基酸编码, 证实从基因库筛选得到的阳性克隆是羊GH基因的克隆。用pSG1及pSG2双链测序, 填补、验证M13测序结果,得出羊GH基因全部顺序。从测序结果,羊GH染色体基因 全长1800 bp 左右,有4个内含子。信号肽在内的全部氨基酸编码完整,分为5个外显子 区。3′端终止密码子紧接第191氨基酸后,与牛GH不同的一个氨基酸密码子 在 第4外 显子区。另外,还含有上游调控区,cap 位点及5′,3′非编码的端侧顺 序(flangking sequence)。与人、牛、猪、鼠及人胎盘促乳激毒基因比较,发现很大同源相似性,进 化保守程度很高。这个基因将进一步用于动物细胞内表达。