"东一号"剑麻蛋白酶分离纯化及特性研究

徐凤彩 卢顺舵 廖毅 李明启 (光合作用研究室)

摘要 比较了用乙醇沉淀法和硫酸铵盐析法从"东一号"剑麻中提取蛋白酶的效果。用前者 制得的粗酶经 Sephadex G-25 柱层析得两个蛋白蜂,其中峰 I 与酶活性重叠。峰 I 再经 SP-Sephadex C-50 离子交换柱层析,pH. 离子强度线性梯度洗脱得 4 个蛋白蜂,其中峰 4 与酶活性重叠。此酶液经聚丙烯酰胺凝胶圆盘电泳,在每条胶柱上呈单一蛋白带;置 4℃下 2 d 后出现六角形结晶。结晶酶液在 pH 5.5-10.0。60℃范围内稳定性较好;其最适 pH 为 7.5;最适温度为 40℃; Km(酪蛋白)值为 0.114%(w/v)用 SDS-聚丙烯酰胺凝胶电泳(SDS-PAGE)测得其分子量 66KD;用 Sephadex G-100 柱层析测得的分子量为 69.9KD,用 Ellman's 试剂测得其游离巯基含量为 4.3 mol-SH/10°g 蛋白质。

关键词 "东一号" 剑麻: 巯基蛋白酶

"东一号" 剑麻 (Agave hybrid No: 11648) 是龙舌兰科 (Agavaceae) 龙舌兰属 (Agave) 中的一个杂交种, 为以假菠萝麻 (A. amgustifolia) 为母本, 蓝剑麻 (A. amaniensis) 为父本杂交, 再与蓝剑麻回交而成[3]. 是一种热带经济作物, 主要利用其叶纤维, 去纤维后的叶汁中含有丰富的蛋白质, 孙崇荣等[1]用硫酸铵分部沉淀法从中提取一种蛋白酶, 并认为是一种巯基蛋白酶: 继而用亲和层析获得纯酶制剂, 并证明有两个组分[2]. 但其酶学性质尚需进一步研究, 我们从"东一号"剑麻去纤维后的废弃汁中用乙醇分部沉淀法制得粗酶制剂, 经纯化获得结晶, 并研究其性质。

1 材料与方法

1.1 材料与主要试剂

"东一号"剑麻*, 采自校园内生长良好的成熟叶片。

酶蛋白 (进口分装): 考马斯亮蓝 G-250/R—250 (Sigma), Sephadex G-25, G-50, SP-Sephadex C-50 (Phammacia). 低分子量标准蛋白 (上海申华公司) 等, 所用试剂均为生化或分析纯试剂。

1.2 方法

¹⁹⁹²⁻⁰⁸⁻²⁶ 收稿

[·] 经我校植物教研室徐祥浩、吴万春教授鉴定.

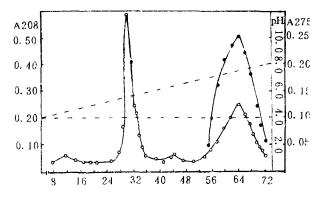
心 (同上),上清液加硫酸铵至 30%饱和度,离心 (同上)除去沉淀,上清液再加硫酸铵至 50%饱和度,离心收集沉淀,低温真空干燥为粗酶。

1. 2. 2 酶的纯化 Sephadex G-25 层析柱 $(2.5 \text{ cm} \times 30 \text{ cm})$ 先用 0.05 mol/L pH7.5 Tris-HCl 缓冲液平衡、取方法 1 制备的粗酶 1 g 溶于上述缓冲液并定容至 10 ml,离心 (9000 rad/min, 10 min, 室温),取清液 5 ml (1.12 mg 蛋白/ml) 上柱,用上述缓冲液洗脱至洗脱液在 280 nm 波长下无光吸收 (1.25 ml/min, 5 ml/管),收集呈酶活性的第 $8\sim14$ 管共 35 ml,透析 (7 mg * 3 mm),低温真空浓缩至 5 ml (1.24 mg * 3 md),再上柱。SP-Sephadex C-50 经预处 理 $(2.5 \times 30 \text{ cm})$,0.02 mol/L pH (2.4 mg) (60 ml/m),(60 ml/m) (60 ml/m)

1.2.3 聚丙烯酰胺凝胶圆盘电泳 用 2.5%浓缩胶,10%分离胶。结晶酶 溶于 0.05 moi/L pH7.5Tris-HCl 缓冲 液并定容至 5 ml (1.2/mg 蛋白/ml), 每管加样 5 μl 在 5 mA 下电泳 100 min。脱胶后用 0.25%考马斯亮蓝 R—250(含 20%TCA)染色,以7%乙 酸退色 2 d.观察蛋白带。

1.2.4 游离巯基含量测定 用 Ellman's 试剂法^[10]。

1.2.5 分子量测定 两种方法:其一,SDS-PAGE法[5];其二,Sephadex G-100 柱层析 (1.5 cm×60 cm) 法,0.05 mol/L pH 7.5 Tris-HCl 缓冲液平衡,加样 6 ml (1.21 mg 蛋白/ml),同



管号 (5 ml/管)

图 1 SP-Sephadex C-50 离子交换柱层析 SP-Sephadex C-50 用 0.02 mol/L pH7.4 柠檬酸-Na₂HPO₄ 缓冲液平衡,用 0.02 mol/L~0.4 mol/L、pH4~pH8.0 柠檬酸-Na₂HPO₄ 缓冲液 pH、离子强度线性梯度洗脱 (60 ml/h)。a—a 蛋白质峰;•—•酶活性峰;----pH 梯度。

一缓冲液洗脱 (60 ml/h, 5 ml/管)。均用下列标准蛋白:磷酸化酶 B (MW 94KD); 牛血清白蛋白 (MW 67KD); 肌动球蛋白 (MW 43KD); 碳酸酐酶 (MW 30KD); TMV 外壳蛋白 (MW 17.5KD)。

1.2.6 酶活性测定 用酪蛋白为底物。0.1 ml 酶液加入 0.9 ml 激活剂 (0.05 mol/L pH 7.5 Tris-HCl 缓冲液内含 20m mol/L Cys. 1 m mol/LEDTA),加入预热的 1%酪蛋白溶液 (W/V, 0.05 mol/L pH 7.5 Tris-HCl 缓冲液配制) 1 ml, 40℃反应 10 min, 加入 3 ml 三氯乙酸 (TCA) 溶液 (0.11 mol/L TCA, 0.22 mol/L NaAc, 0.33 mol/L HAc 配制) 终止反应 (对照 先加 TCA, 后加底物),静置 30 min, 过滤,上清液于 275 nm 波长下比色。在上述条件下每 10 min 增加 1 个光吸收单位的酶量为 1 个酶活力单位 (U)。

1.2.7 蛋白质含量测定 用 Bradford 法[8],并以牛血清白蛋白为标准蛋白。

2 实验结果

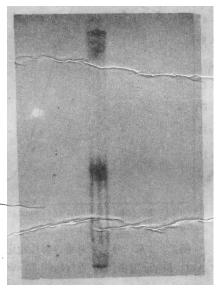
2.1 酶制剂制备与纯化 两种方法制备的粗酶制剂 (表 1)表明,乙醇法提取的产率 (g/

g 鲜重)较高,但比活力稍低,为白色粉末,盐析法制备的粗酶比活力较高,但产率稍低, 为淡绿色。

-	-				
-	-	53 51	剂的	431 3 2.	. T S
400 1	700	-	171459		//////////////////////////////////////

方	 法	酶产率 (%)	酶的比活力(U/mg蛋白)		
乙醇分部沉淀法		2. 73	6. 13		
(NH₄)₂SO₄ 盐	析法	2. 33	7. 21		

乙醇法制备的粗酶经 Sephadex G-25 柱层析分离,洗脱液出现两个蛋白峰,其中第1峰为酶活性峰,收集峰1洗脱液经 SP—Sephadex C-50 离子交换柱层析,pH、离子强度线性梯度洗脱,得4个蛋白峰,其中第4峰为酶蛋白峰(图1)。此峰洗脱液经聚丙烯酰胺凝胶圆盘电泳,在每条胶柱上均只显示一条蛋白带(图2)。此酶液量冰箱内(4°C)2 d后出现六角形结晶(图3)。



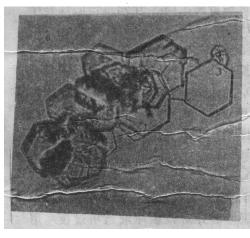


图 2 "东一号"剑麻蛋白酶聚丙烯酰胺凝胶圆盘电泳

图 3 "东一号"剑麻蛋白酶结晶 (100X)

酶的纯化结果如表 2, 酶被纯化了 34 倍。

表 2 酶的分离纯化结果

	がたたま TBE	总蛋白	总体积·	总活力	比活力	纯化
,	纯化步骤	(mg)	(ml)	单位 (U)	(U/mg)	×
1	抽上提	320	500	1186	3. 70	1
2	离心上清液	250	400	1108	4. 43	1 . 2
3	粗 酶	98. 9	8.76 (g)	712.6	7. 21	1. 9
4	Sephadex G-25 层析	7.0	35	68.,5	9. 97	2. 6
5	离子交换柱层析	0.4	. 60	25. 5	63. 8	17. 2
6	结 晶	0. 07	2	8.9	125. 7	34.0

2.2 **鹳的酸碱稳定性及最适** pH 结晶酶液在 pH2.5~11.5、室温下放置 4 h 后调 pH 至

- 7.5 测定各自的酶活力结果表明. 该酶在 pH5.5~10.0 范围内活力稳定. 在上述不同 pH 条件下测定酶活力结果 (图 4) 表明其最适 pH 为 7.5。
- 2.3 酶的热稳定性及最适温度 结晶酶液在 16~90℃下保温 30 min 后,流水冷却,分别测定酶活性,缓结果 (图 5) 表明该酶在 16~60℃内酶活力稳定,在上述温度下直接测定酶活力结果表明其最适温度为 40℃。
- 2.4 Km 值 以酪蛋白为底物. 测定酶在 0.0313, 0.035, 0.0417, 0.0625, 0.083, 0.125, 0.25, 1.0% (W/V) 不同底物浓度下的酶活力. 双倒数作图 (图 6) 求得 Km 值为 0.114%。
- 2.5 酶的分子量测定 用 SDS-PAGE 电 泳法^[5]求得磷酸化酶 B、牛血清蛋白、肌动球蛋白、碳酸酐酶、TMV 外壳蛋白的迁移率 (Rm) 分别为 0.540. 0.607, 0.680, 0.736, 0.810. 以 LgM-Rm 作图, 依据 "东一号" 剑麻蛋白酶的 Rm (0.610), 求得其分子量为 66.0KD, 用 (Sephadex G-100) 柱层析法以洗脱体积 (Ve, ml) 对分子量的对数 (LgM) 作图 (图 7). 依据 "东一号" 剑麻蛋白酶的 洗脱体积 (Ve=144.4 ml) 求得其分子量为 69.9KD。
- 2.6 游离巯基含量测定 结晶酶溶于 Tris —HCI 缓冲液并对该缓冲液透析过夜. 用 Ellman's 试剂[*]测定 "东一号" 剑麻蛋白酶游 离巯基含量为 4.3 mol—SH/10-8 g 蛋白。若

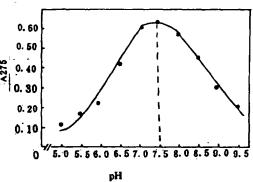


图 4 "东一号" 劍麻蛋白酶最适 pH (1.21mg 蛋白/ml)

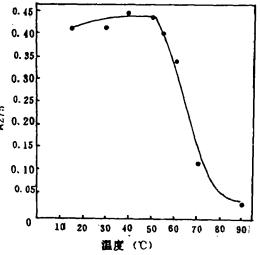


图 5 "东一号" 到麻蛋白酶热稳定性 (1.21 mg 蛋白/ml. 处理时间 30 min)

依上述平均分子量 68KD 计,每 mol 酶蛋白含有 2.9 mol 游离颈基。

3 讨论

龙舌兰属 (Agave) 中经研究含有蛋白酶的有 5 个种 (或杂交种). 其中 Tipton^[10,12]报告在剑麻 (A. sisalana) 中存在被称为 "Agavain" 的蛋白酶, Du Toit^[0]报告在金边龙舌兰(A. americana var. varigata) 中存在的他认为是碱性丝氨酸蛋白酶; 孙崇荣等^[1,2]报告"东一号"剑麻中存在的巯基蛋白酶(Agavain—SH),以及我们实验室发现的香麻 (Agave americana)^[6]和假菠萝麻 (Agave angutifolia) (中

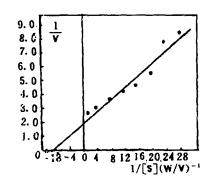


图 6 "东一号" 剑麻蛋白酶的双倒数作图 (底物: 酪蛋白: 酶蛋白浓度: 1.21 mg/ml)

国植物生理学·中国植物生理学会第五届全国会议论文摘要汇编,武汉,1990,10.27~

11.02,第131页)叶片中的巯基蛋白酶。从这几种蛋白酶一的特性(表3)可以看出,它们的分子量有较大差异,最大的和最小的相差1倍;但它们的最适pH较接近,约在pH7.0~8.5之间。至于这几种酶蛋白的特征,Tipton^[10,12]最初报告 "Agavain" 不被pCMB 抑制,认为不是巯基蛋白酶,但它被EDTA 抑制,因此认为是一种含 Fe 的金属蛋白酶;也可被 DFPA 抑制,又可能是一种丝氨酸蛋白酶。但 Boller^[7]重复 Tipton 的实验却未能证实他的结果,"Agavain"对 EDTA 不敏感而受 PMSF 抑制。我们实验室,则观察到剑麻蛋白酶受 pCMB 和 DTNB 抑制(植物学报,1992,待发表)。因此 Tipton 认为 "Agavain" 是金属蛋白酶或丝氨酸蛋白酶是可疑的。Boller 认为 Tipton 所用的酶不纯,混杂了真菌的酶。因此 "Agavain" 的性质尚待进一步证实。金边龙舌兰是番麻的一个变种,Du Toit^[8]只根

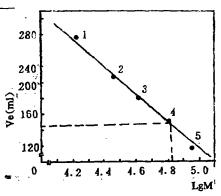


图 7 Sephadex G-100 测定 "东一号" 劍麻蛋白酶分子量 1 TMV 外壳蛋白 2 碳酸酐酶 3 肌动球蛋白 4 牛血清白蛋白 5 磷酸化酶 B

据金边龙舌兰蛋白酶中测不出半胱氨酸,便认为不是巯基蛋白酶,但它却可被 pCMB 抑制,因此也不能排除它亦是巯基蛋白酶,以上看来已知几种龙舌兰属植物的蛋白酶可能均是巯基蛋白酶。

酶来源	酶定名	分子量 (KD)	最适 pH	最适温度 (°C)	酶活性 中心特性	文 献
剣 麻	Agavein	52. 5	6~8.0		含铁 (?)	11, 12
金边龙舌兰		55~57	7.8~8.0	_	丝氨酸 (?)	7
"东一号" 剑麻	Agavain-SH	68.0	7. 5	40	巯基	1, 2
番 麻	Aqavain-SH 1	32. 4~34. 6	7.0~7.5	45	巯基	5
假菠萝麻	Agavain-SH I	_	8. 5	45	巯基	见文

表 3 几种龙舌兰蛋白酶的特性比较

参考文献

- 3 孙崇荣,柴常星,方深高,孙雪英,沈家柏,叶启腾、蔡华娣、剑麻蛋白藤——种新发现的巯基蛋白藤。科学通报,1980(3):138~140
- 2 孙崇荣,柴常星,方深高,孙雪英,沈家柏,叶启腾,蔡华梯. 剑麻蛋白酶的亲和层析及酶活性基团的研究. 复旦大学学报(自然科学版),1981,20(4),377~381
- 3 李宗道编著.龙舌兰麻.麻类理论与技术,上海:上海科学技术出版社,1980,637~653
- 4 华家柽, 奚国良, 易庆成编译, 蛋白质的离子交换层析, 实用蛋白质化学技术, 上海科学技术出版社, 1982, 15~18
- 5 徐凤彩,项金荣,汪炬,李明启.番麻蛋白酶活性中心基团的初步研究.华南农业大学学报,1992,13 (2):61~65
- 6 郭尧君 . SDS 电泳技术的实验考虑及最新进展 . 生物化学与生物物理进展 1991,18(1):32~37
- 7 Bolier Tin. Plant Protelytic Enzyme, CRC Pleass. Boca Roca, Florida, 1986. Vol. 1, 68~69
- 8 Bradford M. A rapid sensitive method for quantitation of microgram quantities of protein utilizing the priciple of protein-dye binding. Anal Biochem. 1976, 72: 248
- 9 Du Toit Pj. Isolation and partial characterization of proteinase from Agree americana variegata. Biophys Acta 1976, 429 (3): 911

- 10 Kor AA, Liu TY. On the mechanism of action of streptocoal proteinase. I. Active—site titration. Biochemisty 1073. 12: 320~328
- 11 Tipton K.F. Agave: A new plant proteinase. Biophys Acta, 1976, 92 (2): 341~350
- 12 Tipton K F. Agavain: A metalloproteinase. Biochem Biophys Acta, 1966, 110 (2): 414~422

PURIFICATION AND PARTIAL CHARACTERIZATION OF A PROTEINASE FROM AGAVE HYBRID NO. 11648

Xu Pengcai Lu Shunduo Liao Yi Li Mingqi (Department of Agricultural Biology)

Abstract A proteinase was extracted from the leaves of Aguse hybrid No. 11648 by precipitation with ethanol. The crude enzyme was fractionated with Sephadex G \sim 25 into two fractions (I and I). Only fraction I had hydrolytic activity on casein. The peak of fraction I coincides with the peak of proteinase activity. Fraction I protein was further fractionated with SP—Sephadex C \sim 50 into four four fractions (I', I', I', and N'), and only fraction N' had hydrolytic activity on casein. Enzyme crystals of hexagonal shape were formed after placing the enzyme solution in 4°C for two days, and a single band was found in the PAGE with the crystals. The optimum pH was 7.5, and the optimum temperature was 40°C. It was relatively stable at temperature bloom 60°C and at pH value ranging from 5.5 to 10.0. Its Km value for casein was 0.114% (w/v). Its molecular weight determined by SDS \sim PAGE and chromatography on Sephadex G \sim 100 with standard proteins were found to be 66KD and 69.9KD respectively. Its content of frée sulfhydryl groups determined by Ellman's reagent was 4.3 mol \sim SH/10° g protein, approximately equal to 2.9 mol free sulfhydryl in 1 mol proteinase.

Key words Aguse hybrid No. 11648; Suifhydryl proteinase